

ES = -0.279 NES = -1.7 Nom. p-val= 0.0199 FWER= 0.457 FDR= 0.26

Heatmap visualization showing the expression of 100 genes across 100 samples, grouped into two clusters: **clus2** and **NON.clus2**. The color scale ranges from -2 (blue) to 2 (red).

Gene List (Rows):

- ITGA1
- ITGA2
- ITGA3
- ITGA4
- ITGA5
- ITGA6
- ITGA7
- ITGA8
- ITGA9
- ITGA10
- ITGA11
- ITGA12
- ITGA13
- ITGA14
- ITGA15
- ITGA16
- ITGA17
- ITGA18
- ITGA19
- ITGA20
- ITGA21
- ITGA22
- ITGA23
- ITGA24
- ITGA25
- ITGA26
- ITGA27
- ITGA28
- ITGA29
- ITGA30
- ITGA31
- ITGA32
- ITGA33
- ITGA34
- ITGA35
- ITGA36
- ITGA37
- ITGA38
- ITGA39
- ITGA40
- ITGA41
- ITGA42
- ITGA43
- ITGA44
- ITGA45
- ITGA46
- ITGA47
- ITGA48
- ITGA49
- ITGA50
- ITGA51
- ITGA52
- ITGA53
- ITGA54
- ITGA55
- ITGA56
- ITGA57
- ITGA58
- ITGA59
- ITGA60
- ITGA61
- ITGA62
- ITGA63
- ITGA64
- ITGA65
- ITGA66
- ITGA67
- ITGA68
- ITGA69
- ITGA70
- ITGA71
- ITGA72
- ITGA73
- ITGA74
- ITGA75
- ITGA76
- ITGA77
- ITGA78
- ITGA79
- ITGA80
- ITGA81
- ITGA82
- ITGA83
- ITGA84
- ITGA85
- ITGA86
- ITGA87
- ITGA88
- ITGA89
- ITGA90
- ITGA91
- ITGA92
- ITGA93
- ITGA94
- ITGA95
- ITGA96
- ITGA97
- ITGA98
- ITGA99
- ITGA100

Sample List (Columns):

- TCGA_4G_AA2Q_01
- TCGA_4G_AA2T_01
- TCGA_W5_AA2I_01
- TCGA_W5_AA2Q_01
- TCGA_W5_AA2T_01
- TCGA_W5_AA2W_01
- TCGA_W5_AA2Z_01
- TCGA_W5_AA34_01
- TCGA_W5_AA36_01
- TCGA_W5_AA38_01
- TCGA_ZD_A8I3_01
- TCGA_ZH_A8Y1_01
- TCGA_ZH_A8Y2_01
- TCGA_ZH_A8Y5_01
- TCGA_ZH_A8Y6_01
- TCGA_3X_AA9V_01
- TCGA_3X_AAV4_01
- TCGA_3X_AAVB_01
- TCGA_3X_AAVC_01
- TCGA_3X_AAVE_01
- TCGA_W5_AA2G_01
- TCGA_W5_AA2H_01
- TCGA_W5_AA2O_01
- TCGA_W5_AA2R_01
- TCGA_W5_AA2U_01
- TCGA_W5_AA2Z_01
- TCGA_W5_AA30_01
- TCGA_W5_AA31_01
- TCGA_W5_AA33_01
- TCGA_W5_AA39_01
- TCGA_W6_AAO5_01
- TCGA_WD_A7RX_01
- TCGA_YR_A95A_01
- TCGA_ZH_A8Y4_01
- TCGA_ZH_A8Y8_01
- TCGA_ZH_A8S4_01