

A density plot showing the distribution of ES values for two gene sets. The x-axis is labeled 'ES' and ranges from -0.6 to 0.6. The y-axis is labeled 'P(ES)' and ranges from 0 to 4. A red curve represents the 'Gene Set Null Density', which is bimodal with peaks at approximately -0.25 and 0.25. A black vertical line at ES = -0.231 represents the 'Observed Gene Set ES value'. The area to the left of this line is labeled 'Neg. ES "NON.clus4"' and the area to the right is labeled 'Pos. ES: "clus4"'. Below the x-axis, the following text is displayed: ES = -0.231 NES = -0.93 Nom. p-val= 0.59 FWER= 1 FDR= 1.

clus4 **NON.clus4**

Class

PIK3CD
PIK3R1
PIK3R5
AXIN2
PIK3CG
CTNNA3
APC
NRAS
CASP9
PTEN
PIK3CA
SOS1
GRB2
TCF7L2
TP53
MYC
CTNNA1
PIK3R2
GSK3B
PIK3CB
FOXO3
MLH1
ILK
BRAF
PIK3R3
CTNNA1
KRAS
EGFR
MAPK1
MAPK3
BAD
TCF7L1
MAP2K2
MAP2K1
AXIN1
CNCD1
ELK1
SOS2
ERBB2
ARAF
AKT2
PDK1
RAF1
AKT1
AKT3
TCF7
EGF
CDH1
LEF1
CTNNA2
APC2

TCGA_KL_5333_01
TCGA_KL_5334_01
TCGA_KL_5349_01
TCGA_KL_5350_01
TCGA_KL_5377_01
TCGA_KL_5378_01
TCGA_KL_5379_01
TCGA_KL_5380_01
TCGA_KL_5381_01
TCGA_KL_5382_01
TCGA_KL_5383_01
TCGA_KL_5384_01
TCGA_KL_5385_01
TCGA_KL_5386_01
TCGA_KL_5387_01
TCGA_KL_5388_01
TCGA_KL_5389_01
TCGA_KL_5390_01
TCGA_KL_5391_01
TCGA_KL_5392_01
TCGA_KL_5393_01
TCGA_KL_5394_01
TCGA_KL_5395_01
TCGA_KL_5396_01
TCGA_KL_5397_01
TCGA_KL_5398_01
TCGA_KL_5399_01
TCGA_KL_5400_01
TCGA_KL_5401_01
TCGA_KL_5402_01
TCGA_KL_5403_01
TCGA_KL_5404_01
TCGA_KL_5405_01
TCGA_KL_5406_01
TCGA_KL_5407_01
TCGA_KL_5408_01
TCGA_KL_5409_01
TCGA_KL_5410_01
TCGA_KL_5411_01
TCGA_KL_5412_01
TCGA_KL_5413_01
TCGA_KL_5414_01
TCGA_KL_5415_01
TCGA_KL_5416_01
TCGA_KL_5417_01
TCGA_KL_5418_01
TCGA_KL_5419_01
TCGA_KL_5420_01
TCGA_KL_5421_01
TCGA_KL_5422_01
TCGA_KL_5423_01
TCGA_KL_5424_01
TCGA_KL_5425_01
TCGA_KL_5426_01
TCGA_KL_5427_01
TCGA_KL_5428_01
TCGA_KL_5429_01
TCGA_KL_5430_01
TCGA_KL_5431_01
TCGA_KL_5432_01
TCGA_KL_5433_01
TCGA_KL_5434_01
TCGA_KL_5435_01
TCGA_KL_5436_01
TCGA_KL_5437_01
TCGA_KL_5438_01
TCGA_KL_5439_01
TCGA_KL_5440_01
TCGA_KL_5441_01
TCGA_KL_5442_01
TCGA_KL_5443_01
TCGA_KL_5444_01
TCGA_KL_5445_01
TCGA_KL_5446_01
TCGA_KL_5447_01
TCGA_KL_5448_01
TCGA_KL_5449_01
TCGA_KL_5450_01
TCGA_KL_5451_01
TCGA_KL_5452_01
TCGA_KL_5453_01
TCGA_KL_5454_01
TCGA_KL_5455_01
TCGA_KL_5456_01
TCGA_KL_5457_01
TCGA_KL_5458_01
TCGA_KL_5459_01
TCGA_KL_5460_01
TCGA_KL_5461_01
TCGA_KL_5462_01
TCGA_KL_5463_01
TCGA_KL_5464_01
TCGA_KL_5465_01
TCGA_KL_5466_01
TCGA_KL_5467_01
TCGA_KL_5468_01
TCGA_KL_5469_01
TCGA_KL_5470_01
TCGA_KL_5471_01
TCGA_KL_5472_01
TCGA_KL_5473_01
TCGA_KL_5474_01
TCGA_KL_5475_01
TCGA_KL_5476_01
TCGA_KL_5477_01
TCGA_KL_5478_01
TCGA_KL_5479_01
TCGA_KL_5480_01
TCGA_KL_5481_01
TCGA_KL_5482_01
TCGA_KL_5483_01
TCGA_KL_5484_01
TCGA_KL_5485_01
TCGA_KL_5486_01
TCGA_KL_5487_01
TCGA_KL_5488_01
TCGA_KL_5489_01
TCGA_KL_5490_01
TCGA_KL_5491_01
TCGA_KL_5492_01
TCGA_KL_5493_01
TCGA_KL_5494_01
TCGA_KL_5495_01
TCGA_KL_5496_01
TCGA_KL_5497_01
TCGA_KL_5498_01
TCGA_KL_5499_01
TCGA_KL_5500_01
TCGA_KL_5501_01
TCGA_KL_5502_01
TCGA_KL_5503_01
TCGA_KL_5504_01
TCGA_KL_5505_01
TCGA_KL_5506_01
TCGA_KL_5507_01
TCGA_KL_5508_01
TCGA_KL_5509_01
TCGA_KL_5510_01
TCGA_KL_5511_01
TCGA_KL_5512_01
TCGA_KL_5513_01
TCGA_KL_5514_01
TCGA_KL_5515_01
TCGA_KL_5516_01
TCGA_KL_5517_01
TCGA_KL_5518_01
TCGA_KL_5519_01
TCGA_KL_5520_01
TCGA_KL_5521_01
TCGA_KL_5522_01
TCGA_KL_5523_01
TCGA_KL_5524_01
TCGA_KL_5525_01
TCGA_KL_5526_01
TCGA_KL_5527_01
TCGA_KL_5528_01
TCGA_KL_5529_01
TCGA_KL_5530_01
TCGA_KL_5531_01
TCGA_KL_5532_01
TCGA_KL_5533_01
TCGA_KL_5534_01
TCGA_KL_5535_01
TCGA_KL_5536_01
TCGA_KL_5537_01
TCGA_KL_5538_01
TCGA_KL_5539_01
TCGA_KL_5540_01
TCGA_KL_5541_01
TCGA_KL_5542_01
TCGA_KL_5543_01
TCGA_KL_5544_01
TCGA_KL_5545_01
TCGA_KL_5546_01
TCGA_KL_5547_01
TCGA_KL_5548_01
TCGA_KL_5549_01
TCGA_KL_5550_01
TCGA_KL_5551_01
TCGA_KL_5552_01
TCGA_KL_5553_01
TCGA_KL_5554_01
TCGA_KL_5555_01
TCGA_KL_5556_01
TCGA_KL_5557_01
TCGA_KL_5558_01
TCGA_KL_5559_01
TCGA_KL_5560_01
TCGA_KL_5561_01
TCGA_KL_5562_01
TCGA_KL_5563_01
TCGA_KL_5564_01
TCGA_KL_5565_01
TCGA_KL_5566_01
TCGA_KL_5567_01
TCGA_KL_5568_01
TCGA_KL_5569_01
TCGA_KL_5570_01
TCGA_KL_5571_01
TCGA_KL_5572_01
TCGA_KL_5573_01
TCGA_KL_5574_01
TCGA_KL_5575_01
TCGA_KL_5576_01
TCGA_KL_5577_01
TCGA_KL_5578_01
TCGA_KL_5579_01
TCGA_KL_5580_01
TCGA_KL_5581_01
TCGA_KL_5582_01
TCGA_KL_5583_01
TCGA_KL_5584_01
TCGA_KL_5585_01
TCGA_KL_5586_01
TCGA_KL_5587_01
TCGA_KL_5588_01
TCGA_KL_5589_01
TCGA_KL_5590_01
TCGA_KL_5591_01
TCGA_KL_5592_01
TCGA_KL_5593_01
TCGA_KL_5594_01
TCGA_KL_5595_01
TCGA_KL_5596_01
TCGA_KL_5597_01
TCGA_KL_5598_01
TCGA_KL_5599_01
TCGA_KL_5600_01
TCGA_KL_5601_01
TCGA_KL_5602_01
TCGA_KL_5603_01
TCGA_KL_5604_01
TCGA_KL_5605_01
TCGA_KL_5606_01
TCGA_KL_5607_01
TCGA_KL_5608_01
TCGA_KL_5609_01
TCGA_KL_5610_01
TCGA_KL_5611_01
TCGA_KL_5612_01
TCGA_KL_5613_01
TCGA_KL_5614_01
TCGA_KL_5615_01
TCGA_KL_5616_01
TCGA_KL_5617_01
TCGA_KL_5618_01
TCGA_KL_5619_01
TCGA_KL_5620_01
TCGA_KL_5621_01
TCGA_KL_5622_01
TCGA_KL_5623_01
TCGA_KL_5624_01
TCGA_KL_5625_01
TCGA_KL_5626_01
TCGA_KL_5627_01
TCGA_KL_5628_01
TCGA_KL_5629_01
TCGA_KL_5630_01
TCGA_KL_5631_01
TCGA_KL_5632_01
TCGA_KL_5633_01
TCGA_KL_5634_01
TCGA_KL_5635_01
TCGA_KL_5636_01
TCGA_KL_5637_01
TCGA_KL_5638_01