

Figure 1 consists of three vertically stacked panels sharing a common x-axis labeled "Gene List Index" ranging from 0 to 15,000. The top panel shows a red line representing the cumulative distribution function (CDF) of the Gene List Index. The y-axis ranges from -0.5 to 0.5. A horizontal dashed line is at y=0. The red line starts at (0,0), dips slightly, then rises to a peak of approximately 0.45 at index 5556, crosses the zero line at index 7635, and continues to rise to about 0.3 at index 15,000. The middle panel shows a series of vertical black lines of varying heights, representing the distribution of genes in the clus3 cluster. The y-axis ranges from -0.5 to 0.5. The bottom panel shows a green area plot representing the distribution of genes in the clus3 cluster. The y-axis ranges from -1.0 to 0. The area is filled with green, and the top boundary is a smooth curve that peaks at index 5556. Labels "clus3" and "NON.clus3" are present in the bottom left and right corners, respectively. Text annotations include "Peak at 5556" and "Zero crossing at 7635".

ES = 0.483 NES = 1.6 Nom. p-val= 0.0202 FWER= 0.885 FDR = 0.692

	clus3										NON.clus3									
Class	clus3										NON.clus3									
ERBB4	clus3										NON.clus3									
PHLPP1	clus3										NON.clus3									
PIK3CA	clus3										NON.clus3									
FOXO1	clus3										NON.clus3									
AKT2	clus3										NON.clus3									
AKT3	clus3										NON.clus3									
CDKN1A	clus3										NON.clus3									
NR4A1	clus3										NON.clus3									
THEM4	clus3										NON.clus3									
RPS6KB2	clus3										NON.clus3									
TRIB3	clus3										NON.clus3									
BAD	clus3										NON.clus3									
FOXO3	clus3										NON.clus3									
GSK3A	clus3										NON.clus3									
FOXO4	clus3										NON.clus3									
MDM2	clus3										NON.clus3									
CASP9	clus3										NON.clus3									
PDPK1	clus3										NON.clus3									
PIK3R1	clus3										NON.clus3									
NRG2	clus3										NON.clus3									
TSC2	clus3										NON.clus3									
PTEN	clus3										NON.clus3									
AKT1	clus3										NON.clus3									
CREB1	clus3										NON.clus3									
AKT1S1	clus3										NON.clus3									
MTOR	clus3										NON.clus3									
EREG	clus3										NON.clus3									
RICTOR	clus3										NON.clus3									
HBEGF	clus3										NON.clus3									
CHUK	clus3										NON.clus3									
MAPKAP1	clus3										NON.clus3									
CDKN1B	clus3										NON.clus3									
MLST8	clus3										NON.clus3									
NRG4	clus3										NON.clus3									
NRG1	clus3										NON.clus3									
BTC	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8322_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8338_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8346_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8323_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8324_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8325_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8327_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8328_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8329_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8331_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8333_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8336_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8339_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8340_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8343_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8345_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8348_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8349_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8341_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8343_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8344_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8347_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8359_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8360_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8361_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8362_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8363_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8364_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8365_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8367_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8368_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8369_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8370_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8371_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8372_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8373_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8374_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8375_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8376_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8377_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8378_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8379_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8380_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8381_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8382_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8383_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8384_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8385_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8386_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8387_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8388_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8389_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8390_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8391_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8392_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8393_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8394_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL_8395_01	clus3										NON.clus3									
TCGA_KL																				